

```

ATGAATGGACTGAATGATATCTTTGAAGCGCAGAAAATTGAATGGCATGAATCCGGATCT
 90          100          110          120          130          140
M N G L N D I F E A Q K I E W H E S G S

                               SpeI
                               >=====
CATCACCATCACCATCACCATCACACTAGTAGCAATTCCATGTCCCCTATACTAGGTTAT
 150          160          170          180          190          200
H H H H H H H H T S S N S M S P I L G Y

TGGAAAATTAAGGGCCTTGTGCAACCCACTCGACTTCTTTTGGAAATATCTTGAAGAAAAA
 210          220          230          240          250          260
W K I K G L V Q P T R L L L E Y L E E K

TATGAAGAGCATTTGTATGAGCGCGATGAAGGTGATAAATGGCGAAAACAAAAAGTTTGAA
 270          280          290          300          310          320
Y E E H L Y E R D E G D K W R N K K F E

TTGGGTTTGGAGTTTCCCAATCTTCCTTATTATATTGATGGTGATGTTAAATTAACACAG
 330          340          350          360          370          380
L G L E F P N L P Y Y I D G D V K L T Q

TCTATGGCCATCATAACGTTATATAGCTGACAAGCACAAACATGTTGGGTGGTTGTCCAAAA
 390          400          410          420          430          440
S M A I I R Y I A D K H N M L G G C P K

GAGCGTGCAGAGATTTCAATGCTTGAAGGAGCGGTTTTGGATATTAGATACGGTGTTCG
 450          460          470          480          490          500
E R A E I S M L E G A V L D I R Y G V S

AGAATTGCATATAGTAAAGACTTTGAAACTCTCAAAGTTGATTTTCTTAGCAAGCTACCT
 510          520          530          540          550          560
R I A Y S K D F E T L K V D F L S K L P

GAAATGCTGAAAATGTTTCGAAGATCGTTTATGTCATAAAACATATTTAAATGGTGATCAT
 570          580          590          600          610          620
E M L K M F E D R L C H K T Y L N G D H

GTAACCCATCCTGACTTCATGTTGTATGACGCTCTTGATGTTGTTTTATAACATGGACCCA
 630          640          650          660          670          680
V T H P D F M L Y D A L D V V L Y M D P

ATGTGCCTGGATGCGTTCCCAAATTAGTTTTGTTTTAAAAAACGTATTGAAGCTATCCCA
 690          700          710          720          730          740
M C L D A F P K L V C F K K R I E A I P

CAAATTGATAAGTACTTGAATCCAGCAAGTATATAGCATGGCCTTTCAGGGCTGGCAA
 750          760          770          780          790          800
Q I D K Y L K S S K Y I A W P L Q G W Q

                               AgeI                               Sali
                               >=====                               >=====
GCCACGTTTGGTGGTGGCGACCATCCTCCAACCGGTAGTGGCACCAGTGGGTCGACAGAA
 810          820          830          840          850          860
A T F G G G D H P P T G S G T S G S T E

                               NcoI          NotI          XhoI
                               >=====          =>=====          >=====
                               BamHI          EcoRI          AvrII          HindIII
                               >=====          >=====          >=====          >=====
AACCTGTACTTCCAGGGATCCATGGAATTCGCGGCCGCCCTAGGCTCGAGCTAAGCTTG
 870          880          890          900          910          920
N L Y F Q G S M E F A A A L G S S * - *

```

# Enzymes that cut	Frequency	Isoschizomers
AgeI	1	
AvrII	1	
BamHI	1	
EcoRI	1	
HindIII	1	
NcoI	1	

SalI
SpeI
XhoI

1
1
1